



بیماری‌های قابل انتقال بین انسان و حیوان



مقاله کوتاه

بررسی میزان شیوع باکتری کوکسیلا بورتی در نمونه های شیر خام و پنیر محلی گوسفندی عرضه شده در شهرستان فارس از توابع استان چهارمحال بختیاری به روش PCR

عبدالجلیل ریگی*، مائده سجادیان، عیسی عباسی بیرگانی، مهدی بهمن دهکردی، مجتبی زنگنه، هلن
حنایی اهواز

گروه بهداشت مواد غذایی، واحد شهرکرد، دانشگاه آزاد اسلامی، شهرکرد، ایران.



*نویسنده مسئول: rigi.jalil@gmail.com

تاریخ پذیرش: ۱۴۰۲/۰۱/۳۰

تاریخ دریافت: ۱۴۰۲/۰۱/۱۵

چکیده

تب کیو در انسان بیماری بدون علامت و خود محدود شونده است و معمولاً نیازی به درمان ندارد. با این وجود تب کیو بیماری مزمنی است که برای درمان طولانی مدت به آنتی بیوتیک‌ها نیاز دارد زیرا عفونت می‌تواند به اندوکاردیت یا هپاتیت گرانلوماتوز تبدیل گردد. از آنجایی که این بیماری یکی از بیماری‌های باکتریایی زئونوتیک می‌باشد و احتمال انتقال آن از محصولات دامی به انسان خصوصاً محصولات لبنی خام و فراوری شده محلی وجود دارد این مطالعه طراحی و انجام شد. در این بررسی تعداد ۲۰ نمونه شیر و ۲۰ نمونه پنیر محلی تهیه شده از شیر گاو در شهرستان فارس، استان چهارمحال بختیاری اخذ گردید و پس از استخراج DNA بررسی ژنوم باکتری کوکسیلا بورتی با روش PCR انجام شد. از تعداد ۲۰ نمونه DNA استخراج شده شیر خام و از تعداد ۲۰ نمونه DNA استخراج شده از نمونه‌های پنیر هیچ ژنومی برای کوکسیلا بورتی ردیابی نشد. علی‌رغم ردیابی نشدن ژنوم این باکتری در مطالعه حاضر در شهرستان فارس امکان حضور این باکتری و یا انتقال آن توسط جابه‌جایی دام‌های آلوده به ظاهر سالم امکان پذیر است.

کلمات کلیدی: کوکسیلا بورتی، تب کیو، PCR



مقدمه

کوکسیلا بورنتی عامل بیماری تب Q است که جزء بیماری های مشترک بین انسان و دام می باشد و با خطر آلودگی از طریق تنفس ذرات آئروسل آلوده همراه است (۱). کوکسیلا بورنتی یک کوکو باسیل گرم منفی اجباری داخل سلولی است. یک بیماری زئونوز با پراکندگی جهانی است (۲). کنه ها مخازن اولیه کوکسیلا بورنتی (*Coxiella burnetii*) و مسئول انتشار عفونت در بین حیوانات وحشی و اهلی می باشند و گاو، گوسفند و بز به عنوان منابع اصلی و ناقلین بدون علامت این پاتوژن به انسان ها گزارش شده (۳). گونه های حیوانی زیادی به این عفونت حساس اند اما در نشخوارکنندگان بیشتر شایع است (۴) از بین حیوانات اهلی، گاوهای شیری، گوسفند و بز بزرگترین مخازن این باکتری هستند. رحم و غدد پستانی حیوان اولین محل جایگزینی عامل بیماری در فاز مزمن آلودگی با کوکسیلا بورنتی هستند. حیوانات آلوده به این میکروارگانیسم را از طریق ترشحات دفعی، ترشحات رحمی و قطعاتی از جفت در طی زایمان، به میزان زیاد به محیط دفع می کنند. یکی دیگر از مهم ترین راه های دفع کوکسیلا بورنتی به محیط شیر دام های آلوده می باشد (۵). عامل بیماری تب کیو از طریق ذرات آئروسل، کنه های خون خوار یا از راه غذایی وارد شده و به ماکروفاژهای میزبان متصل و واردشان می شود. کوکسیلا بورنتی در داخل سلول ساختار خاصی به نام واکنول های انگلی را توسط فاگوسیتوز درست می کند بنابراین درون سلول زنده باقی می ماند (۶). در طول یک دوره از سال ۲۰۱۵ تا ۲۰۱۹ تعداد کیس های بیماری تب کیو در اتحادیه اروپا از ۸۲۲ تا ۹۵۰ عدد در سال معادل ۰/۱۹ کیس در جمعیت ۱۰۰ هزار نفره بوده است (۷) داده های اندکی از عفونت تب کیو قطعاً ثابت می کند که این بیماری از طریق شیر غیر پاستوریزه و محصولات لبنی آلوده انتشار پیدا می کند. بیماری در هر دو جامعه روستایی و شهری اتفاق می افتد، لیکن بخش وسیعی از موارد در بین افراد شاغل در صنعت دامپروری از جمله پرورش دهندگان حیوانات، شیردوشان، کارگران کشتارگاه، کارکنان صنایع لبنی و شاغلین کارخانه های چرم، روغن و صنایع نقل و انتقال حیوانات اتفاق می افتد (۸). تب کیو در انسان بیماری بدون علامت و خود محدود شونده است و معمولاً نیازی به درمان ندارد. با این وجود تب کیو بیماری مزمنی است که برای درمان طولانی مدت به آنتی بیوتیک ها نیاز دارد زیرا عفونت می تواند به اندوکاردیت یا هیپاتیت گرانلوماتوز تبدیل گردد. علاوه بر آن عفونت با کوکسیلا بورنتی می تواند منجر به سقط جنین و مرده زایی در خانم های آبستن گردد، همچنین به عنوان یک عامل سرطانزا در گروه B عوامل سرطانزا طبقه بندی شده است (۸). به طور خلاصه کیفیت شیر و محصولات شیر فاکتورهای گوناگونی مانند سلامت حیوان، کیفیت میکروبی شیر و تکنیک های فرآوری محصولات غذایی بستگی دارد. مطالعات اولیه بر شیوع کوکسیلا بورنتی در گاوهای شیری بیشتر بر اساس آزمایشات سرولوژیک بوده و در تعداد کمی از مطالعات برای جستجوی این میکروارگانیسم بیماری زا از واکنش زنجیره ای پلیمرز (PCR) استفاده شده است (۹). اگر چه مطالعات محدودی در ایران میزان شیوع آلودگی شیر و محصولات شیر به این پاتوژن را حدود شش درصد نشان می دهد. با توجه به اهمیت این موضوع، مطالعه حاضر با هدف بررسی شیوع کوکسیلا بورنتی در شیر خام و پنیر محلی با روش واکنش زنجیره پلی مرز (PCR) در شهرستان فارس در استان چهارمحال بختیاری انجام گرفت.

مواد و روش ها



بیماری های قابل انتقال بین انسان و حیوان



در این بررسی تعداد ۲۰ نمونه های شیر و ۲۰ نمونه پنیر محلی گوسفندی تهیه شده از شیر گاو در شهرستان فارس، استان چهارمحال بختیاری اخذ گردید. این تعداد نمونه ها از گاوهای به ظاهر سالم و در ظرف سترون در مجاورت یخ خشک به آزمایشگاه منتقل شدند (۵). به منظور ردیابی کوکسیلا بورنتی در نمونه ها از روش Berri و همکاران (۲۰۰۳) استفاده شد. پس از سانتریفوژ کردن نمونه ها و جداسازی، چربی از رسوب حاصل برای استخراج DNA با استفاده از کیت استخراج DNA (سیناژن، ایران) استفاده شد. کیفیت و مقدار DNA استخراج شده به روش اسپکتروفتومتری با محاسبه نسبت طول موج ۲۶۰ به ۲۸۰ نانومتر مورد ارزیابی قرار گرفت. DNA استخراج شده تا زمان انجام PCR در فریزر ۲۰ درجه سانتی گراد نگهداری شدند. برای بررسی حضور DNA ژنومی کوکسیلا بورنتی در نمونه ها از واکنش زنجیره ای پلی مرز آشیانه ای (Nested PCR) استفاده شد. توالی آغازگرهای مورد استفاده برای تکثیر ژن *coml* که کدکننده پروتئین غشای خارجی کوکسیلا بورنتی می باشد براساس مطالعه Zhang و همکاران (۱۹۹۸) و Fretz و همکاران (۲۰۰۷) انتخاب (جدول ۱) و مورد استفاده قرار گرفت. برای انجام PCR مرحله اول غلظت بهینه مواد به کار رفته در واکنش در حجم نهایی ۲۵ میکرولیتر به صورت زیر استفاده شد. پنج میکرولیتر DNA الگو نانوگرم DNA الگو در هر واکنش ۵/۰ میلی مولار MgCl₂ (میکرومول از هر پرایمر پرایمرهای OMP2-OMP1)، ۵/۰ واحد آنزیم DNA پلی مرز Ting و ۲۰۰ میکرومولار dNTPs Mix سپس دو تا سه قطره روغن معدنی سترون برای جلوگیری از آلودگی و تبخیر، به مخلوط واکنش PCR اضافه گردید. لوله ها در داخل دستگاه ترموسایکلر (Mastercycler Gradient, Eppendorf, Germany) قرار داده شدند و برنامه دمایی به صورت ۹۴ درجه سانتی گراد چهار دقیقه ۳۰ چرخه دمایی به ترتیب ۹۴ درجه سانتی گراد ۵۶ درجه سانتی گراد و ۷۲ درجه سانتی گراد هر یک به مدت یک دقیقه و در ادامه مرحله نهایی ۷۲ درجه سانتی گراد به مدت پنج دقیقه تنظیم گردید. برای PCR مرحله دوم از پرایمرهای OMP3-OMP4 استفاده شد. در این مرحله همه شرایط از قبیل مخلوط واکنش گرهای PCR و برنامه زمانی و دمایی مطابق مرحله اول اجرا شد با این تفاوت که DNA الگو در این مرحله دو میکرولیتر از محصول PCR مرحله اول می باشد که به نسبت یک به ۲۰۰ رقیق و به مخلوط واکنش اضافه شد محصولات PCR حاصل از واکنش مرحله دوم در ژل آگارز ۱/۵ حاوی اتیدیوم بروماید الکتروفورز گردید و با نور ماورای بنفش (UV) مشاهده و مورد بررسی قرار گرفت. طول قطعات DNA تکثیر یافته به روش PCR مربوط به جفت پرایمرهای MP1 - OMP2 و OMP3-OMP4 به ترتیب ۵۰۱ و ۴۳۸ جفت باز می باشد در این، مطالعه کنترل مثبت DNA ژنومی *Coxiella burnetii* استاندارد (Genekam Biotechnology ;3154: Duisburg, Germany Serial Number) و کنترل منفی شامل مخلوط کلیه واکنش گرهای PCR بدون حضور DNA در نظر گرفته و به جای DNA آب مقطر استریل به لوله ها اضافه شد. سپس داده های حاصل به کمک نسخه شانزدهم نرم افزار SPSS Inc., Chicago, IL و آزمون مربع، کای، مورد تجزیه و تحلیل آماری قرار گرفتند مرز معنی داری در $p < 0.05$ تعیین گردید.



کوکسیلا بورنتی در نمونه های شیر خام و پنیر محلی کوسندی

جدول ۱: پرایمرهای مورد استفاده در جستجوی کوکسیلا بورنتی در شیر خام گاو به روش واکنش زنجیره ای پلیمرز آشیانه ای. هدف تکثیر و مشاهده محصول PCR مرحله دوم است که ۴۳۸ جفت باز می باشد.

نام پرایمر	توالی	وزن محصول (bp)
OMP1	5'-AGT AGA AGC ATC CCA AGC ATT G-3'	501
OMP2	5'-TGC CTG CTA GCT GTA ACG ATT G-3'	
OMP3	5'-GAA GCG CAA CAA GAA GAA CAC-3'	438
OMP4	5'-TTG GAA GTT ATC ACG CAG TTG-3'	

نتایج

از تعداد ۲۰ نمونه DNA استخراج شده شیر و ۲۰ نمونه DNA استخراج شده از پنیر محلی در این پژوهش هیچ نمونه مثبتی برای کوکسیلا بورنتی ردیابی نشد.

بحث

از آنجایی که کوکسیلا بورنتی عامل بیماری تب کیو و جزء بیماری های مهم ژئونوتیک می باشد تحقیقات گوناگونی بر روی این باکتری ها انجام شده است. در سال ۲۰۱۷ شیوع تب کیو در میان کارکنان صنایع لبنی در دو ناحیه در جنوب کشور شیلی گزارش شد که پیرو آن مطالعه ای به منظور بررسی حضور کوکسیلا بورنتی در تانک های حمل شیر خام از فارم های درگیر در شیوع تب کیو گزارش شده انجام گرفت. در این بررسی کوکسیلا بورنتی در دو نمونه (۱/۲ درصد) از ۱۰۵ نمونه آنالیز شده با تکنیک Real-Time PCR ردیابی شد (۱). در مطالعه ای در شهرکرد در بررسی ژنومی کوکسیلا بورنتی در ۵۰ نمونه از ۵۰ مخزن شیر گاو که در دو فصل زمستان و بهار جمع آوری گشت، مجموع ۱۶ نمونه مثبت بود (۱۰). کارگر و همکاران در سال ۲۰۱۲، تعداد ۱۰۰ نمونه ی تهیه شده از شیر گاو را در شهرستان جهرم بررسی کردند که میزان شیوع آلودگی را ۱۱ درصد گزارش نموده اند (۱۱). رحیمی و همکاران در سال ۲۰۱۱ با بررسی ۲۴۷ نمونه شیر از ۱۸۶ گله گاو شیری در استان اصفهان میزان شیوع آلودگی را ۲/۳ درصد (هشت مورد) گزارش نمودند (۱۲). از مطالعات فوق مشخص می شود که شیر خام و محصولات لبنی می تواند جزء مخازن بالقوه انتقال آلودگی به کوکسیلا بورنتی در مناطق مختلف باشد اما در مطالعه حاضر در هیچ یک از نمونه ها ژنوم کوکسیلا بورنتی ردیابی نشد.

نتیجه گیری کلی و پیشنهادها



علی‌رغم ردیابی نشدن ژنوم این باکتری در مطالعه حاضر در شهرستان فارس امکان حضور این باکتری و یا انتقال آن توسط جابه‌جایی دام‌های آلوده به ظاهر سالم امکان پذیر است.

تقدیر و تشکر

از تمامی کسانی که در جمع‌آوری نمونه همکاری کردند سپاسگزاریم.

تعارض منافع

هیچ‌گونه تضاد منفعی بین نویسندگان وجود ندارد و این مقاله با اطلاع و هماهنگی آنها ارسال شده است.

فهرست منابع

- [1]. Cornejo, J., et al. (2020), Identification of *Coxiella burnetii* in tank raw cow milk: first findings from Chile. *VectorBorne and Zoonotic Diseases*,. 20(3): p. 228-230. <https://doi.org/10.1089/vbz.2019.2535>.
- [2]. Keshavamurthy, R., et al. (2019), Prevalence of *Coxiella burnetii* in cattle and buffalo populations in Punjab, India. *Preventive veterinary medicine*,. 166: p. 16-20. <https://doi.org/10.1016/j.prevetmed.2019.03.003>.
- [3]. Kim, S.G., et al. (2005), *Coxiella burnetii* in bulk tank milk samples, United States. <https://doi.org/10.3201/eid1104.041036>.
- [4]. Banazis, M.J., et al. (2010), A survey of Western Australian sheep, cattle and kangaroos to determine the prevalence of *Coxiella burnetii*. *Veterinary microbiology*,. 143(2-4): p. 337-345. <https://doi.org/10.1016/j.vetmic.2009.12.002>.
- [5]. Kim, S.G., et al. (2005), *Coxiella burnetii* in bulk tank milk samples, United States. *Emerging infectious diseases*,. 11(4): p. 619. <https://doi.org/10.3201/eid1104.041036>.
- [6]. Maurin, á. and D.f. Raoult.(1999), Q fever. *Clinical microbiology reviews*,. 12(4): p. 518-553. <https://doi.org/10.1128/CMR.12.4.518>.
- [7]. Authority, E.F.S., L.C. (2021).Cabrera, and P.M. Pastor, The 2019 European Union report on pesticide residues in food. *EFSA Journal*,. 19(4). <https://doi.org/10.2903/j.efsa.2021.6491>.
- [8]. Kirkan, Ş., et al. (2008), Detection of *Coxiella burnetii* in cattle by PCR. *Turkish Journal of Veterinary & Animal Sciences*,. 32(3): p. 215-220.
- [9]. Cerf, O. and R. Condron.(2006).Coxiella burnetii and milk pasteurization: an early application of the precautionary principle? *Epidemiology & Infection*,. 134(5): p. 946-951. <https://doi.org/10.1017/S0950268806005978>.
- [10]. کریمیان, (۲۰۱۶), جستجوی ژنومی کوکسیلا بورنتی در نمونه‌های مخزن شیر گاو در شهرکرد. نشریه پژوهنده, ۵۲-۱.
- [11]. Kargar, M., et al. (2013)., Prevalence of *Coxiella burnetii* in bovine bulk milk samples in southern Iran. *Comparative clinical pathology*,. 22(3): p. 331-334. <https://doi.org/10.1007/s00580-012-1406-9> . [In Persian]
- [12]. Rahimi, E., et al. (2011). Prevalence of *Coxiella burnetii* in bulk milk samples from dairy bovine, ovine, caprine, and camel herds in Iran as determined by polymerase chain reaction. *Foodborne pathogens and disease*,. 8(2): p. 307-310. <https://doi.org/10.1089/fpd.2010.0684>. [In Persian]



"This journal is following of Committee on Publication Ethics (COPE) and complies with the highest ethical standards in accordance with ethical laws". This work is licensed under a Creative Commons Attribution-NonCommercial 4.0 International license (<https://creativecommons.org/licenses/by-nc/4.0/>). Non-commercial uses of the work are permitted, provided the original work is properly cited Copyright © 2023 Zoonosis.



Investigating the prevalence of *Coxiella burnetii* in raw milk and local sheep cheese samples supplied in Farsan City of Chaharmahal Bakhtiari province by PCR method

Rigi A*, Sajadin M, Abbasibirgani E, Bahmandehkordi M, Zangeneh M, Hanaieahvaz H

Food Hygiene Department, Shahrekord Branch, Islamic Azad University, Shahrekord, Iran.



*Corresponding author: rigi.jalil@gmail.com

Received: 2023/04/19

Accepted: 2023/04/04

Abstract

Q fever in humans is an asymptomatic and self-limiting disease and rarely requires treatment. However, Q fever is a chronic disease that requires antibiotics for long-term treatment because the infection can turn into endocarditis or granulomatous hepatitis. Since this disease is one of the zoonotic bacterial diseases and there is a possibility of its transmission from animal products to humans, incredibly raw and locally processed dairy products, this study was designed and conducted. This study obtained 20 samples of milk and 20 samples of local cheese prepared from cow's milk in Farsan City, Chahar Mahal Bakhtiari province. After DNA extraction, the genome of *Coxiella burnetii* was analyzed by PCR method. No genome for *Coxiella burnetii* was detected in 20 raw milk DNA samples and from 20 cheese samples. Although the genome of this bacterium was not detected in the present study in Farsan City, this bacterium can be present or transmitted by moving infected and healthy animals.

Keywords: *Coxiella burnetii*, Q fever, PCR

How to cite this article: Rigim A, Sajadin M, Abbasibirgani E, Bahmandehkordi M, Zangeneh M, Hanaieahvaz H. Investigating the prevalence of *Coxiella burnetii* in raw milk and local sheep cheese samples supplied in Farsan City of Chaharmahal Bakhtiari province by PCR method. *Journal of Zoonosis*. 2023; 3 (1): 12-17.